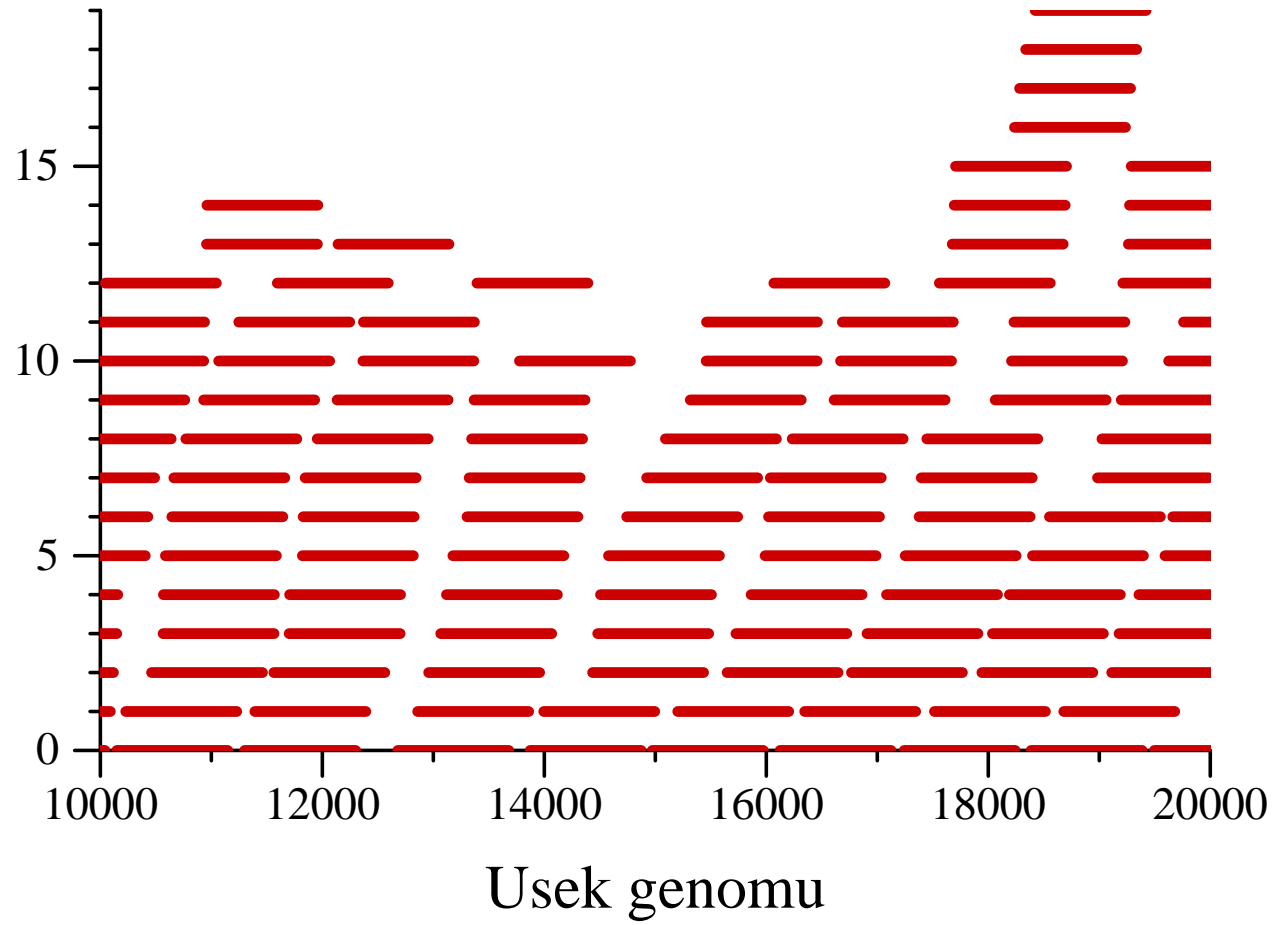


**Úvod do pravdepodobnosti, sekvenovanie genómov
(cvičenie)**

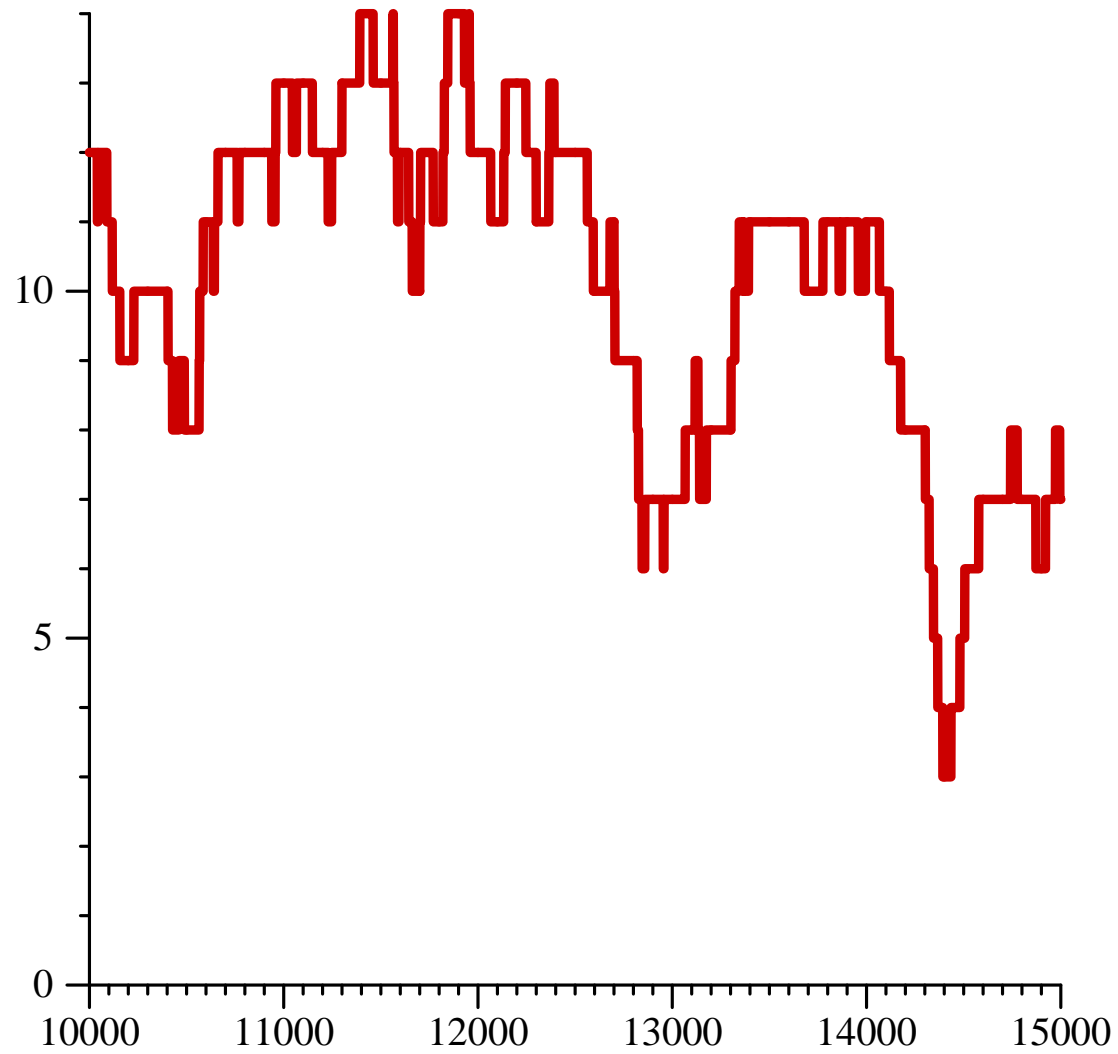
**Askar Gafurov
3.10.2019**

- G = délka genómu, napr. 1 000 000
- N = počet čítaní (readov), napr. 10 000
- L = délka čítania, napr. 1000
- T = potrebná délka prekryvu, napr. 50

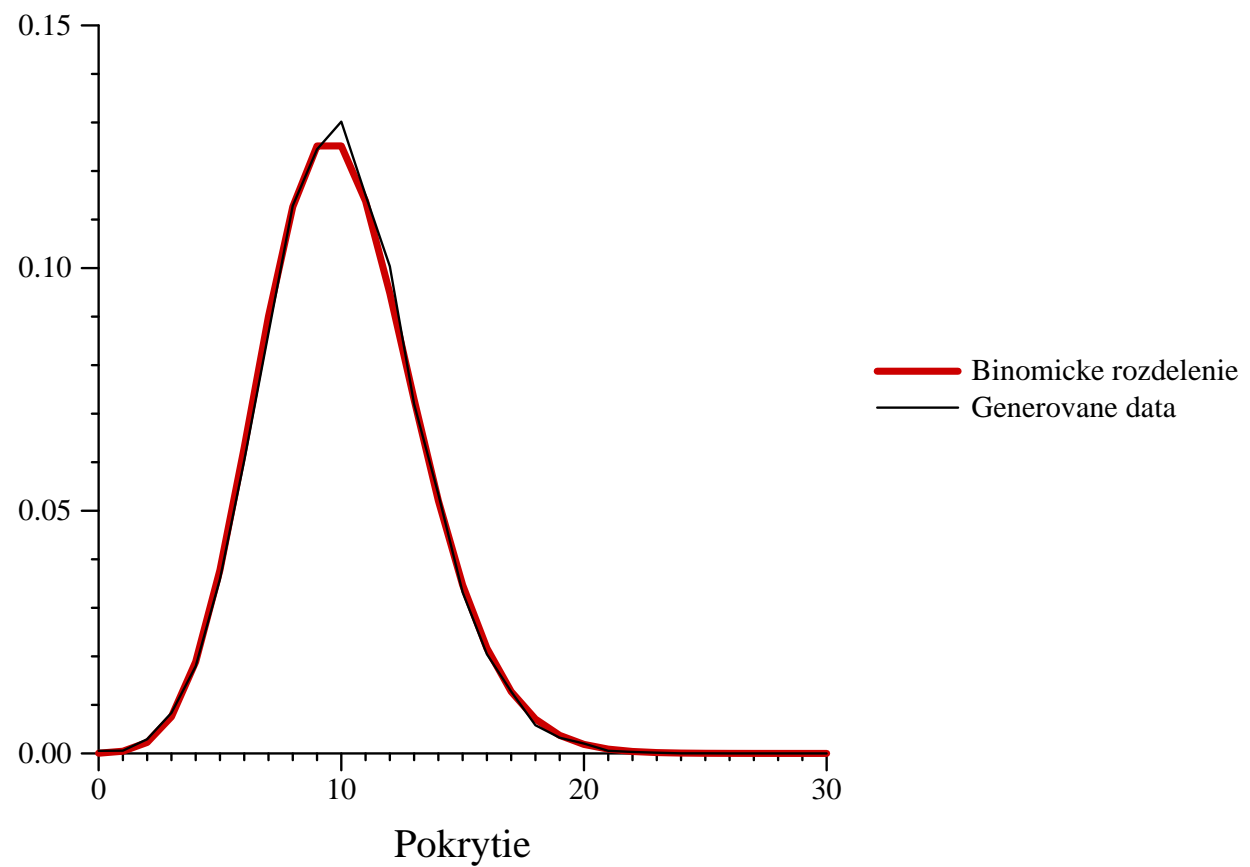
Náhodne generované čítania



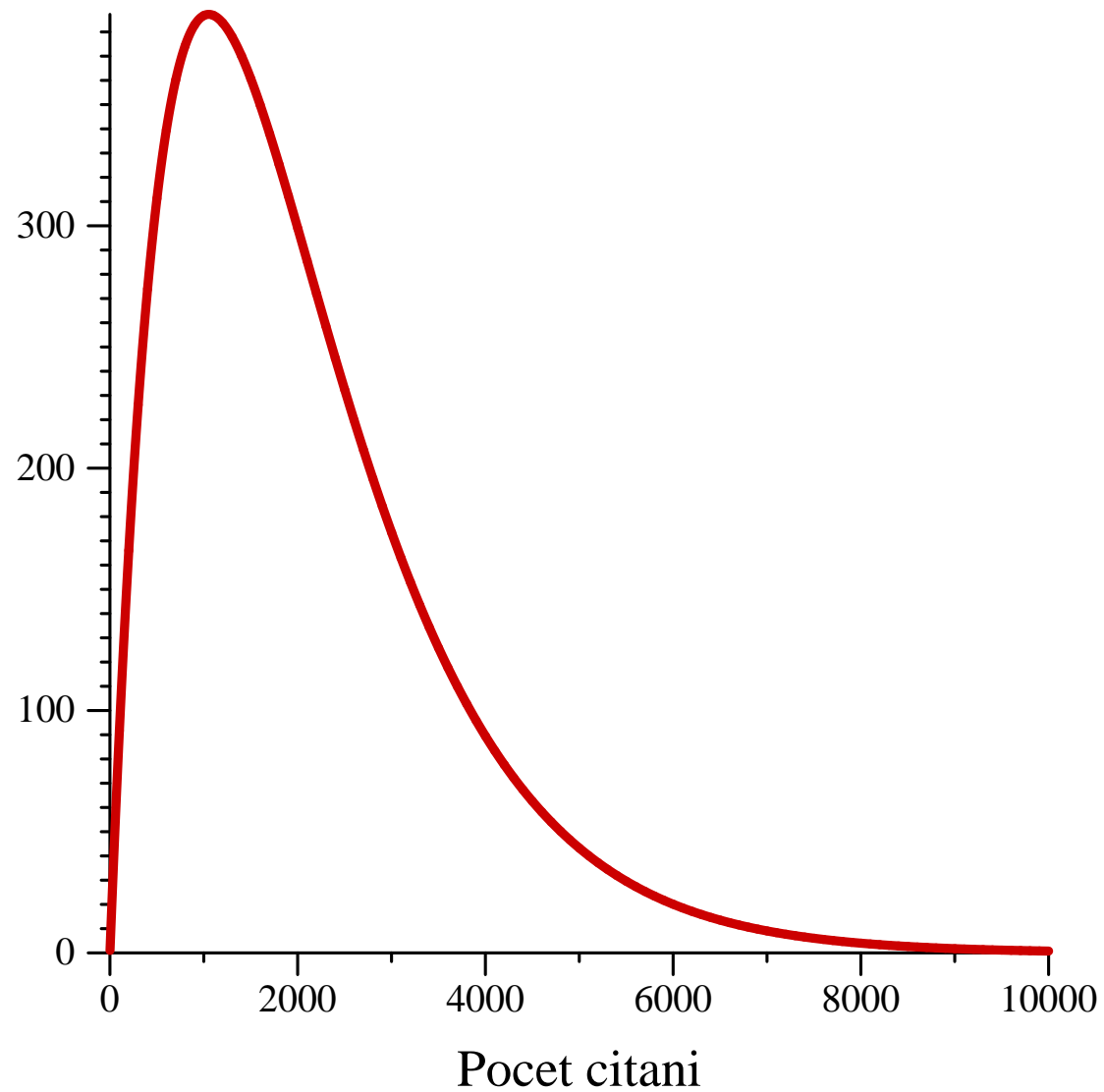
Pokrytie jednotlivých báz



Počet báz s určitým pokrytím



Predpokladaný počet kontigov od počtu čítaní



nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 0 koncov: 0
nepokr: 274 koncov: 2	nepokr: 282 koncov: 1	nepokr: 0 koncov: 0
nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 8 koncov: 1
nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 12 koncov: 1	nepokr: 0 koncov: 0
nepokr: 122 koncov: 1	nepokr: 135 koncov: 1	nepokr: 111 koncov: 1
nepokr: 13 koncov: 1	nepokr: 1 koncov: 1	nepokr: 56 koncov: 1
nepokr: 265 koncov: 1	nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 10 koncov: 1
nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 130 koncov: 1
nepokr: 217 koncov: 1	nepokr: 3 koncov: 1	nepokr: 0 koncov: 0
nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 86 koncov: 1
nepokr: 139 koncov: 2	nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 0 koncov: 0
nepokr: 76 koncov: 1	nepokr: 221 koncov: 1	nepokr: 26 koncov: 1
nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 1 koncov: 1	nepokr: 0 koncov: 0
nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 0 koncov: 0
nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 12 koncov: 1
nepokr: 103 koncov: 2	nepokr: 0 koncov: 0	nepokr: 71 koncov: 1
nepokr: 69 koncov: 1	nepokr: 0 koncov: 0	